

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** Mr JEANNOT Pascal  
**Elevage :**  
**Demandeur :** JEANNOT Pascal  
**Organisation :** Maine Coon Club de France  
**Préleveur :** FOLLET Sandrine (19036)

**Mr JEANNOT Pascal**  
27 rue Beauséjour  
51300 FRIGNICOURT

**Date de prélèvement :** 15/06/2018

**Date de réception :** 20/06/2018

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 17/05/2018

**Sexe :** Femelle

## Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

**Date d'exécution :** 27/06/2018

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC17222 Nom : OLLY WOOD DE CHANTECOQ		PORTEUR (+/-)

*La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.*

*Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 02/07/2018**

Olivier Yvernogean  
Technicien PCR



## Certificat d'Analyse(s)

<b>Propriétaire :</b> Mr JEANNOT Pascal	<b>Mr JEANNOT Pascal</b>
<b>Elevage :</b>	27 rue Beauséjour
<b>Demandeur :</b> JEANNOT Pascal	
<b>Organisation :</b> Maine Coon Club de France	51300 FRIGNICOURT
<b>Préleveur :</b> FOLLET Sandrine (19036)	

---

<b>Date de prélèvement :</b> 15/06/2018	<b>Date de réception :</b> 20/06/2018
<b>Nombre de prélèvements :</b> 1	<b>Nature des prélèvements :</b> Buccal (brossette)
<b>Espèce :</b> CHAT	<b>Race :</b> MCO - Maine Coon
<b>Date de naissance :</b> 17/05/2018	<b>Sexe :</b> Femelle

### Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 27/06/2018

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC17222 Nom : OLLY WOOD DE CHANTECOQ		NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/-) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 02/07/2018**

Olivier Yvernogean  
Technicien PCR



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** Mr JEANNOT Pascal  
**Elevage :**  
**Demandeur :** JEANNOT Pascal  
**Organisation :** Maine Coon Club de France  
**Préleveur :** FOLLET Sandrine (19036)

**Mr JEANNOT Pascal**  
 27 rue Beauséjour  
 51300 FRIGNICOURT

**Date de prélèvement :** 15/06/2018

**Date de réception :** 20/06/2018

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 17/05/2018

**Sexe :** Femelle

### Spinal Muscular Atrophy (SMA)

**Date d'exécution :** 27/06/2018

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC17222 Nom : OLLY WOOD DE CHANTECOQ		NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6)" présente sur le gène LIX1 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
 La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé  
 photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 02/07/2018**

Olivier Yvernogeu  
 Technicien PCR



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** Mr JEANNOT Pascal  
**Elevage :**  
**Demandeur :** JEANNOT Pascal  
**Organisation :** Maine Coon Club de France  
**Préleveur :** FOLLET Sandrine (19036)

**Mr JEANNOT Pascal**  
27 rue Beauséjour  
51300 FRIGNICOURT

**Date de prélèvement :** 15/06/2018

**Date de réception :** 20/06/2018

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 17/05/2018

**Sexe :** Femelle

## Génotypage sanguin par ADN

**Date d'exécution :** 27/06/2018

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC17222 Nom : OLLY WOOD DE CHANTECOQ		nonb/nonb

*non-b/non-b: aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB - non-b/b : 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB - b/b : 2 allèles b détectées, groupe sanguin B.*

*Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le** 02/07/2018

Olivier Yvernogean  
Technicien PCR

